

Mieux guérir le mélanome de l'œil

24H

12.10.16

Recherche

En étudiant les tumeurs de l'œil, une équipe de chercheurs lausannois a fait une découverte étonnante qui va permettre de développer une thérapie plus pointue

Des chercheurs de l'Université de Lausanne (UNIL), du CHUV et de l'Hôpital ophtalmique Jules-Gonin ont analysé la séquence génomique complète de 33 tumeurs du mélanome de l'uvée. Ces données devraient permettre d'identifier de nouvelles cibles thérapeutiques.

Le mélanome de l'uvée est la tumeur intra-oculaire la plus fréquente chez l'adulte. Comme il se développe à l'intérieur du globe oculaire, il n'est pas directement visible, contrairement au mélanome de la peau. De plus, il n'entraîne généralement pas de douleur et les symptômes visuels sont relativement peu importants.

Conséquence: le diagnostic est souvent posé tardivement et la mortalité liée à cette tumeur n'a pas changé depuis vingt-cinq ans, explique l'UNIL dans un communiqué.

Pour changer la donne, les chercheurs lausannois ont entrepris d'identifier les altérations génétiques moléculaires du mélanome de l'uvée. Ils ont analysé la séquence génomique complète, autrement dit l'arrangement séquentiel de 3 milliards de paires de bases d'ADN, dans 33 tumeurs.

Ces recherches ont conduit à une double surprise: tout d'abord, ces mutations ne sont pas causées par le rayonnement UV. Et surtout, alors que le mélanome de la peau est un cancer caractérisé par des milliers de mutations de l'ADN, celui de l'uvée contient en moyenne seulement vingt mutations par tumeur, impliquant souvent les mêmes gènes.

Les chercheurs pensent que certaines de ces mutations sont associées à une probabilité augmentée de développer des métastases. Elles pourraient donc être utilisées pour identifier des patients à hauts risques métastatiques. Ces mutations pourraient représenter des cibles pour des traitements futurs, possiblement personnalisés, ajoute l'UNIL.

ATS

Le mélanome de l'œil a été séquencé

24H

18.10.16

Médecine

Des chercheurs lausannois ont cartographié le génome du mélanome de l'uvée, soit la tumeur intra-oculaire la plus fréquente chez l'adulte. Un pas vers de nouvelles thérapies

Des chercheurs de l'Université de Lausanne (UNIL), du CHUV et de l'Hôpital ophtalmique Jules-Gonin ont analysé la séquence génomique complète de 33 tumeurs du mélanome de l'uvée (partie intermédiaire pigmentaire de l'œil). Ces données devraient permettre d'identifier de nouvelles cibles thérapeutiques.

Le mélanome de l'uvée est la tumeur intra-oculaire la plus fréquente chez l'adulte. Comme il se développe à l'intérieur du globe oculaire, il n'est pas di-

rectement visible, contrairement au mélanome de la peau. De plus, il n'entraîne généralement pas de douleur et les symptômes visuels sont relativement peu importants.

Conséquence: le diagnostic est souvent posé tardivement et la mortalité liée à cette tumeur - de l'ordre de 30% sur cinq ans - n'a pas évolué depuis vingt-cinq ans, explique l'UNIL dans un communiqué.

Pour changer la donne, l'équipe de Carlo Rivolta, du Département de biologie computationnelle de l'UNIL, a entrepris d'identifier les altérations génétiques moléculaires du mélanome de l'uvée. Les chercheurs ont analysé la séquence génomique complète, autrement dit l'arrangement séquentiel de trois milliards de paires de bases d'ADN, dans 33 tumeurs.

Ces recherches, publiées dans *The American Journal of Human Genetics*, ont conduit à une double surprise: tout d'abord, ces mutations ne sont pas causées par le rayonnement UV. Et surtout, alors que le mélanome de la peau est un cancer caractérisé par des milliers de mutations de l'ADN, celui de l'uvée contient en moyenne seulement 20 mutations par tumeur, impliquant souvent les mêmes gènes.

Les chercheurs pensent que certaines de ces mutations sont associées à une probabilité augmentée de développer des métastases. Elles pourraient donc être utilisées pour identifier des patients à hauts risques métastatiques. Ces mutations pourraient représenter des cibles pour des traitements futurs, potentiellement personnalisés.

ATS